

D. Jorge Hugo Calvo Lacosta con DNI 25.453.882-N, investigador ARAID, responsable del Laboratorio de Genética molecular animal del Centro de Investigación y Tecnología agroalimentaria de Aragón (CITA),

INFORMA

Según el contrato de investigación entre La Asociación de Ganaderos de Ovino de Raza Ojinegra de Teruel y el Centro de Investigación y Tecnología Agroalimentaria de Aragón para el desarrollo del trabajo “GENOTIPADO DE MUESTRAS DE RAZA OJINEGRA DE TERUEL MEDIANTE UN PANEL DE 192 SNPs PARA PARA LLEVAR ACABO FILIACIONES Y GENOTIPADO DE GENES DE INTERÉS COMO EL DE RESISTENCIA A SCRAPIE Y OTROS” se ha realizado el análisis de 1232 muestras para la filiación y genotipados de genes de interés en la producción ovina (scrapie, clásico y atípico, estacionalidad reproductiva, precocidad sexual, crecimientos, y otros).

La metodología usada para el citado análisis ha sido mediante tecnología KASP (Kompetitive Allele Specific PCR or KBioscience Competitive Allele Specific PCR) usando un panel de 192 SNPs que incluyen los 159 SNPs para la asignación de paternidad y 33 SNPs funcionales (*PrnP*, *BMP15*, *MTNR1A*...), descrita en el artículo de Calvo, J.H., Serrano, M., Tortereau, F., Sarto, P., Jiménez, M.A., Iguacel, L.P., Folch, J., Alabart, J.L., Fabre, S. y Lahoz, B. Desarrollo de un panel de SNPs para la asignación de paternidad aplicado a los programas de mejora y conservación de razas ovinas de carne del noreste de España. SEOC 2018. Zaragoza.

En el ANEXO I se realiza una descripción del panel de SNPs utilizados y cómo se han seleccionado los diferentes SNPs.

Y para que así conste, se firma el presente documento, en Zaragoza, a 04 de marzo de 20211.




Jorge Hugo Calvo Lacosta
(jhcalvo@aragon.es; tel. 976716471)



CITA-Aragón. Avda. Montañana, 930. 50.059-Zaragoza. Spain